

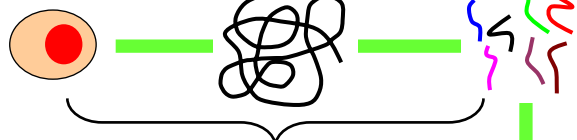
# MASCOT ファミリー概念

**MATRIX  
SCIENCE**

細胞・組織

蛋白質

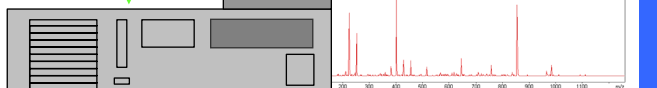
ペプチド



質量分析 RAW データ

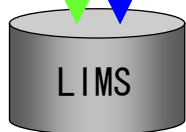
Total Ion Chromatogram

MS/MS Spectrum



- |                                |                                     |
|--------------------------------|-------------------------------------|
| Applied Biosystems             | "Data Explorer (Voyager)"           |
| Applied Biosystems   MDS Sciex | "Analyst (QStar, QTrap)"            |
| Bruker                         | "XMASS/XTOF (Reflex, Biflex 等)"     |
| Bruker/Agilent                 | "yep format (Esquire, LC/MSD Trap)" |
| Shimadzu (Kratos)              | "Launchpad (Axima)"                 |
| Thermo Finnigan                | "Xcalibur (LCQ, Deca)"              |
| Waters (Micromass)             | "Masslynx (QTof, M@ldi, ToFSpec)"   |

実験情報

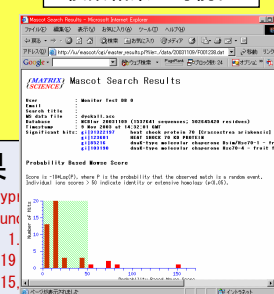


検索結果アクセス開発ツール

**MASCOT Parser**

**MASCOT**

検索結果の可視化



検索結果

```

hi_text=Gag poly
ein - Human immun
efficiency virus 1
hi_q1=1, 1517, 7619
48, -1, 759948, 1, 15
MGARASVLSGGELDR, 0, 000
00000000, 0, 00, 2, 0000
00, 0, 0, 0, 00000000
    
```

検索結果 DB

**MASCOT Server**

(DB 検索エンジン)

蛋白質 DB  
ゲノム DB

DBの自動更新

Intranet/Internet

**Distiller Developer**  
(開発用ツール)

RAW データ可視化・ピーク検出



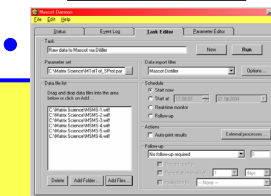
ピークリスト

```

BEGIN IONS
PEPMASS=983.6
846.60 73
846.80 44
847.60 67
920.53 99
956.11 87
978.48 67
    
```

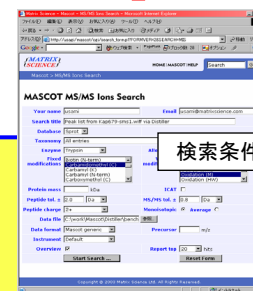
**Daemon 接続モジュール**

自動検索用 GUI



**MASCOT Daemon**

検索条件設定



Browser GUI

入力データ

```

-----7d02eb530208
Content-Disposition: form-data; name="rm-dat
name="INTERMEDIATE"
-----7d02eb530208
Content-Disposition:
    
```